

**Tóm tắt Khóa luận tốt nghiệp**

**ỨNG DỤNG KỸ THUẬT MULTIPLEX – PCR ĐỂ PHÁT HIỆN CÁC GEN ĐỘC LỰC CỦA VI KHUẨN *ESCHERICHIA COLI* PHÂN LẬP TỪ PHÂN BÒ, PHÂN HEO TIÊU CHẢY VÀ THỊT BÒ**

**Sinh viên: Đoàn Thị Tuyết Lê    Khóa: 2001 - 2005**

Đề tài được thực hiện nhằm xác định các gen độc lực *stx1*, *stx2*, *eae*, *hly*, *lt-I*, *sta*, *stb*, *vt2e* của vi khuẩn *E. coli* được phân lập từ 27 mẫu phân tiêu chảy của bò, heo, bê và 9 mẫu bẻ mặt thịt bò bằng kỹ thuật multiplex – PCR. Ghi nhận được khuẩn lạc hồng trên môi trường MAC; trên SMAC có 2 loại: khuẩn lạc hồng và khuẩn lạc trắng; khuẩn lạc trắng trên CT-SMAC. Mỗi nhóm chọn khoảng 6 – 10 khuẩn lạc riêng lẻ. Ly trích DNA theo nhóm khuẩn lạc và từng khuẩn lạc riêng lẻ theo phương pháp nhiệt. Kết quả multiplex - PCR được ghi nhận như sau:

- (1) Nhóm khuẩn lạc có mang gen độc lực thì chưa chắc từng khuẩn lạc riêng lẻ có mang gen độc lực đó.
- (2) Tần số phát hiện các gen độc lực của *E. coli* từ những mẫu phân tiêu chảy lần lượt là: 25% trên phân bò tiêu chảy (*stx2*, *hly*), 30% trên phân bê tiêu chảy (*stx1*, *stx2*, *hly*, *eae*), 88,89% trên phân heo tiêu chảy (*stb*, *lt*, *vt2e*, *hly*, *stx1*, *eae*). Điều này chứng tỏ rằng trên cả 3 nhóm đối tượng trên, *E. coli* mang các gen độc lực có thể là nguyên nhân quan trọng gây tiêu chảy.
- (3) 9 mẫu bẻ mặt thịt bò chưa phát hiện được gen độc lực của *E. coli*.
- (4) Chưa phát hiện được gen *sta* trong *E. coli* phân lập từ 27 mẫu phân tiêu chảy của bò, bê và heo.

